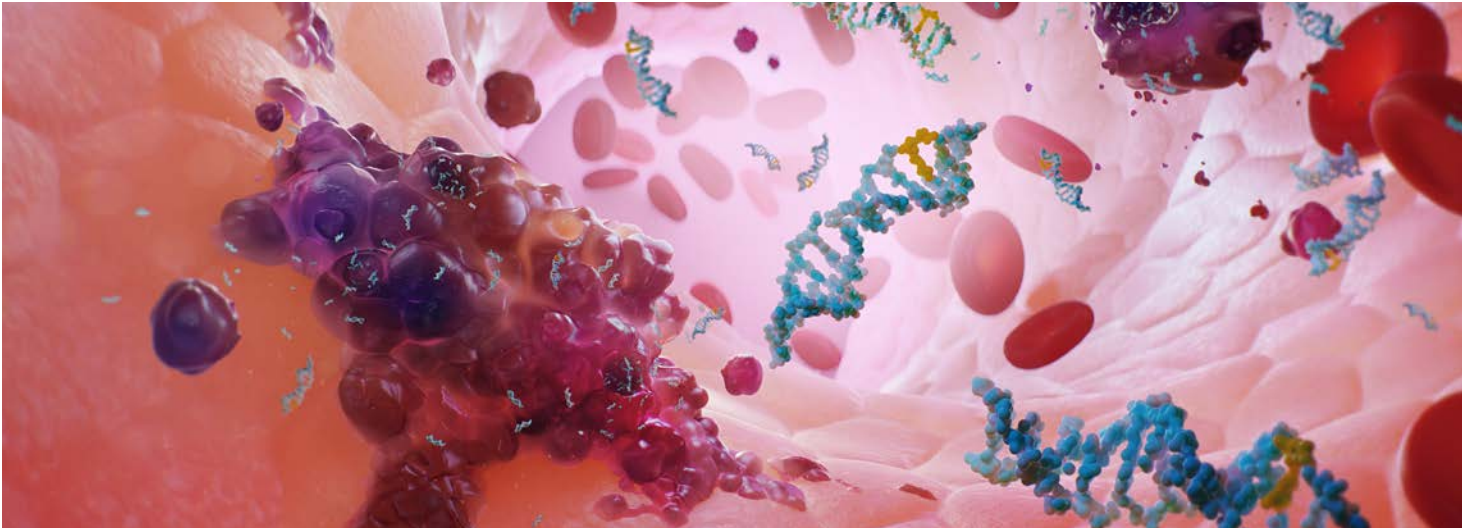


Realisiert die Sensitivität der ctDNA Detektion

Plasma-SeqSensei™ Breast Cancer IVD Kit



Das Plasma-SeqSensei™ IVD Breast Cancer Kit ermöglicht einen hochsensitiven und quantitativen Nachweis von Mutationen in zirkulierender Tumor-DNA (ctDNA) aus dem Blutplasma basierend auf der Next Generation Sequencing (NGS) Technologie. Die Ergebnisse werden innerhalb von zwei Tagen in Form von einfach zu lesenden Berichten mit der Plasma-SeqSensei™ IVD Software generiert.

Das Plasma-SeqSensei™ Breast Cancer IVD Kit weist Genmutationen in AKT1, ERBB2, ESR1, KRAS, PIK3CA und TP53 nach, um Kliniker bei der Erkennung von minimaler Resterkrankung (MRD), der frühzeitigen Detektion von Rezidiven und dem Monitoring des (neo-)adjuvanten Therapieansprechens zu unterstützen.

Einzigartige Vorteile für Kliniker



Hohe Sensitivität bei niedriger MAF

Der Plasma-SeqSensei™-Workflow reduziert die NGS-Fehlerquote um mehr als das 100-fache, indem die Unique Identifier (UID) Technologie eingesetzt wird. So kann mit 95%-iger Sicherheit eine 0,06%-ige mutierte Allelfraction (MAF) bei einem Hintergrund von 10.000 Wildtyp-Kopien erkannt werden.

→ Zuverlässige Detektion niedriger MAF-Werte.



Absolute Quantifizierung

Der interne Quantifizierer Quantispike ermöglicht die absolute Quantifizierung von ctDNA-Molekülen bis zu einer Nachweisgrenze von sechs mutierten Molekülen – unabhängig vom tatsächlichen DNA-Input der Probe.

→ Konsistente Quantifizierung im longitudinalen Monitoring.

Einzigartige Vorteile für klinische Labore



Kurzer und standardisierter Arbeitsablauf

In nur zwei Tagen von der zellfreien DNA (cfDNA) bis zum Ergebnis, einschließlich der Sequenzierung.



Schnelle und bequeme Datenanalyse

Eine lokale Software automatisiert die Datenanalyse und liefert einen Mutationsbericht, der für Kliniker konzipiert ist.

Vorteile

- ✓ IVD-zertifizierte Reagenzien und Software
- ✓ Hochsensitiv bis zu 0,06% mutierte Allelfraktion (MAF)
- ✓ Mehr als MAF: Quantitativer Nachweis von sechs oder mehr mutierten Molekülen (MM)
- ✓ Schnelle Durchführbarkeit in nur zwei Tagen – von der cfDNA-Probe bis zum Bericht



Anwendungsgebiete Plasma-SeqSense™ Breast Cancer IVD Kit

Gene ID#	Transkript ID#	Start der kodierenden Sequenz	Ende der kodierenden Sequenz	Die häufigsten detektierten Mutationen
AKT1	ENST00000554581	47	69	E17K
ERBB2	ENST00000269571	907	947	S310F
ERBB2	ENST00000269571	2,308	2,360	L755S, D769Y
ERBB2	ENST00000269571	2,258	2,307	V777L
ESR1	ENST00000440973	1,108	1,143	E380Q
ESR1	ENST00000440973	1,378	1,420	S463P
ESR1	ENST00000440973	1,583	1,614	D538G, Y537S/C/N
KRAS	ENST00000256078	8	43	G12D/V/C/R/A/S, G13D
PIK3CA	ENST00000263967	254	278	R88Q
PIK3CA	ENST00000263967	329	352	K111E
PIK3CA	ENST00000263967	353	367	G118D
PIK3CA	ENST00000263967	1,033	1,058	E345K
PIK3CA	ENST00000263967	1,085	1,115	P366R
PIK3CA	ENST00000263967	1,252	1,264	C420R
PIK3CA	ENST00000263967	1,348	1,387	E453K
PIK3CA	ENST00000263967	1,611	1,659	E545K/A, E542K
PIK3CA	ENST00000263967	2,138	2,184	E726K
PIK3CA	ENST00000263967	3,118	3,169	H1047R/L
TP53	ENST00000269305	144	232	W53*
TP53	ENST00000269305	293	375	R110P
TP53	ENST00000269305	376	423	C141Y, C135Y
TP53	ENST00000269305	451	537	R175H, H179R
TP53	ENST00000269305	574	659	R213*, Y220C, R196*
TP53	ENST00000269305	695	782	R248Q/W, G245S
TP53	ENST00000269305	783	856	R273H/C, R282W
TP53	ENST00000269305	888	919	R306*
TP53	ENST00000269305	920	993	Q331*
TP53	ENST00000269305	994	1,080	R342*

Produktspezifikationen

Funktion	Beschreibung
Typ	Vollblut und Blutplasma
Kapazität	2–16 Proben pro Kit und bis zu 32 Proben mit dem Extension IVD Kit
QC Funktion	Positivkontrolle und Negativkontrolle (NTC) bei jedem Durchlauf
Kompatible Sequenzierer	Illumina NextSeq 500/550™
Notwendiger DNA Input	4,3–86 ng/116 µl
Anzahl der Amplikons	28
Sensitivität	0,06% Allelfraktion mit 95%-iger Sicherheit bei 10.000 Wildtyp-Kopien
Cut-off	6 mutierte Moleküle